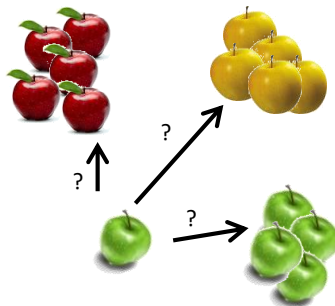


PROCESAREA CUNOȘTINȚELOR ȘI CALCUL INTELIGENT - PCCI

Rețele neuronale artificiale pentru clasificare

Recapitulare: Clasificare și clustering

- **Clasificare** = repartizare a unui obiect (model de intrare) în una dintre mai multe categorii cunoscute.



Cărei clase îi aparține noul măr ?

- **Clustering (grupare)** = identificarea categoriilor existente într-un grup de date (modele de intrare) despre care inițial nu se cunoaște nimic.



Câte feluri de mere sunt în grămadă ?
Cum arată fiecare fel de măr ?
Care măr aparține cărui fel ?

Recapitulare:

Algoritme de clasificare și clustering

- Algoritm de clasificare: *algoritmul celor mai apropiați k vecini* (k-nearest neighbors, acronim kNN)
- Algoritm de clusterizare: *k-medii* (k-means)

Recapitulare: Algoritmul kNN

- Definirea bazei de date: se dă un număr de elemente pentru care se cunoaște clasa căreia aparține fiecare dintre ele, c , $c=1 \dots C$.
- Definirea numărului de vecini k
- Prezentarea noului element, care se dorește a fi clasificat
- Calcul distanță (de obicei euclidiană) dintre noul element și elementele cunoscute din baza de date
- Sortarea în ordine crescătoare a distanțelor și reținerea primelor k elemente cu cele mai mici distanțe calculate
- Identificarea claselor cărora aparțin cele k elemente reținute
- Clasa c căreia îi va fi asociat noul element va fi clasa dominantă (care apare de cele mai multe ori)

Recapitulare: Algoritmul k-means

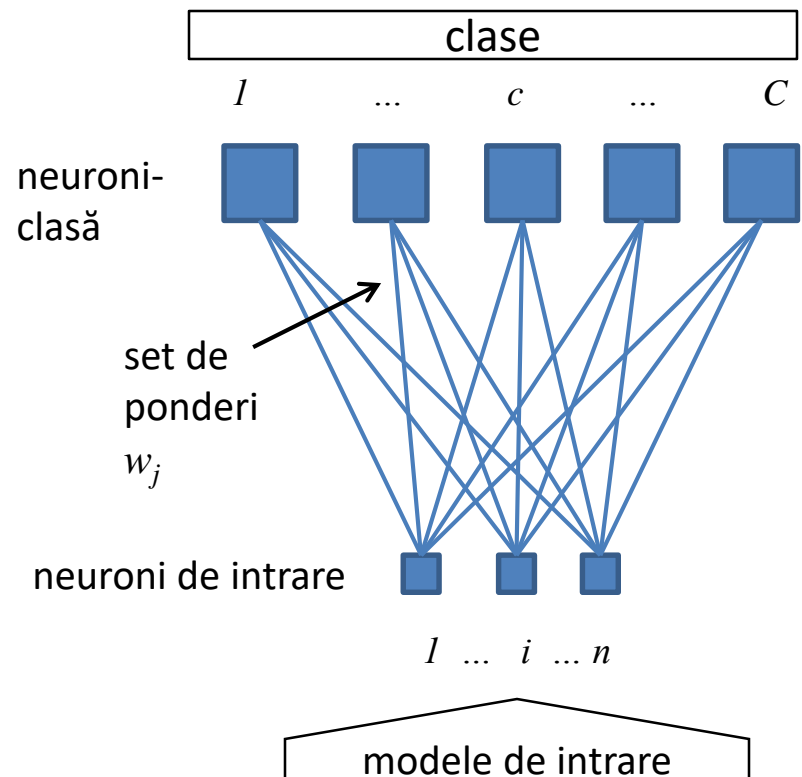
- Definirea bazei de date: un număr de elemente pentru care nu se cunoaște clasa de apartenență
- Definirea unui număr fix de k centre, dintre punctele existente în baza de date (analog numărului C din algoritmul kNN)
- Repetă până la îndeplinirea criteriului de oprire
 - Calculul distanței între fiecare centru și toate punctele din baza de date
 - Alocarea pentru centrul k a punctelor celor mai apropiate ca distanță
Recalcularea fiecărui centru ca medie a elementelor asociate centrului respectiv în iterația curentă
 - Verifică condiția de oprire: nici un punct nu a schimbat centrul căruia i-a fost alocat.

Cuprins:

- Rețele neuronale artificiale folosite pentru clasificare
 - Un algoritm general pentru RNA clasificatoare
 - Algoritmul Learning Vector Quantizer (LVQ) pentru învățare supravegheată
 - Self Organizing Feature Maps (hărți cu autoorganizare) (SOFM) sau RNA Kohonen, pentru învățare nesupravegheată.

Modelul general al unei RNA clasificatoare

- RNA cu două straturi: unul de intrare și unul de ieșire
- Un neuron de ieșire este legat prin ponderi de toți neuronii de intrare; un asemenea set de ponderi este notat cu w_j
- Numărul de neuroni de intrare este egal cu n , numărul de elemente care formează un model de intrare; un model generic are indicele m , $m=1...M$ (se consideră în general M modele în setul de antrenare).
- Numărul de neuroni de ieșire este egal cu numărul de clase cunoscute C ; un model generic este notat c , $c=1...C$.



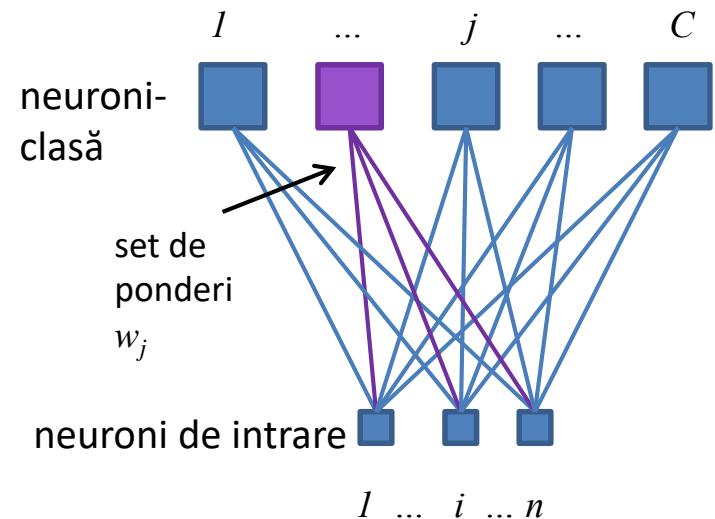
Modelul general al unei RNA clasificatoare

- Se poate recunoaște modelul unui neuron elementar
- Fiecare neuron de ieșire corespunde unei clase; ponderile sale w_j formează **prototipul** (codebook vector) asociat clasei respective
- Algoritmul are două etape:
 - ❑ Identificarea claselor posibile folosind un set de date de antrenare
 - ❑ Recunoașterea sau clasificarea unor modele noi într-una din clasele existente

- Funcția de activare:

$$y = \begin{cases} 1, & \text{dacă modelul de intrare curent este asociat clasei } c \\ 0, & \text{în caz contrar} \end{cases}$$

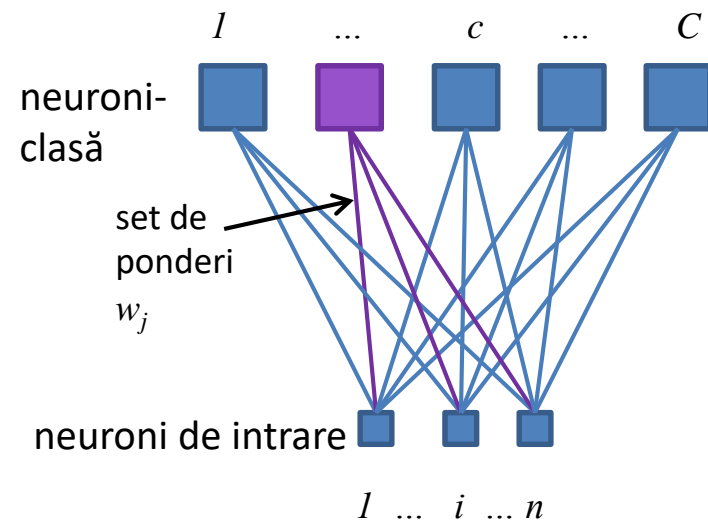
$c = 1..C$



Etapa de antrenare

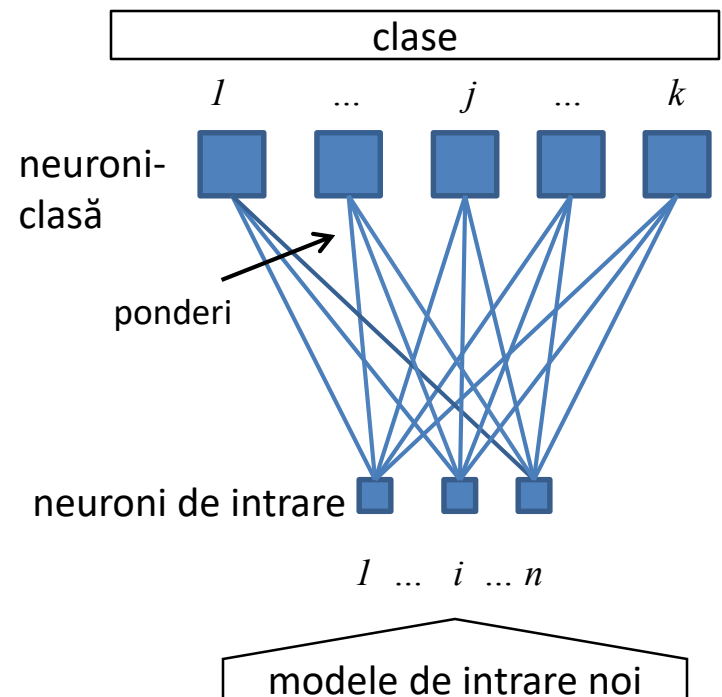
- Ponderile neuronale sunt inițializate aleatoriu, de obicei în intervalul $[0,1]$
- Algoritm iterativ; într-o iterație se parcurg următorii pași:
 - ❖ Fiecare model de intrare este comparat, prin calculul unei distanțe (de obicei cea euclidiană) cu prototipurile tuturor neuronilor-clasă
 - ❖ Este ales drept neuron câștigător cel cu distanța calculată cea mai mică
 - ❖ Ponderile neuronului clasă ales sunt corectate pentru a se apropia de modelul de intrare respectiv
 - ❖ Dacă s-a îndeplinit condiția de oprire, procesul iterativ se oprește
- În finalul algoritmului, valorile ponderilor fiecărui neuron-clasă codifică caracteristicile clasei respective, determinate pe baza setului de antrenare disponibil

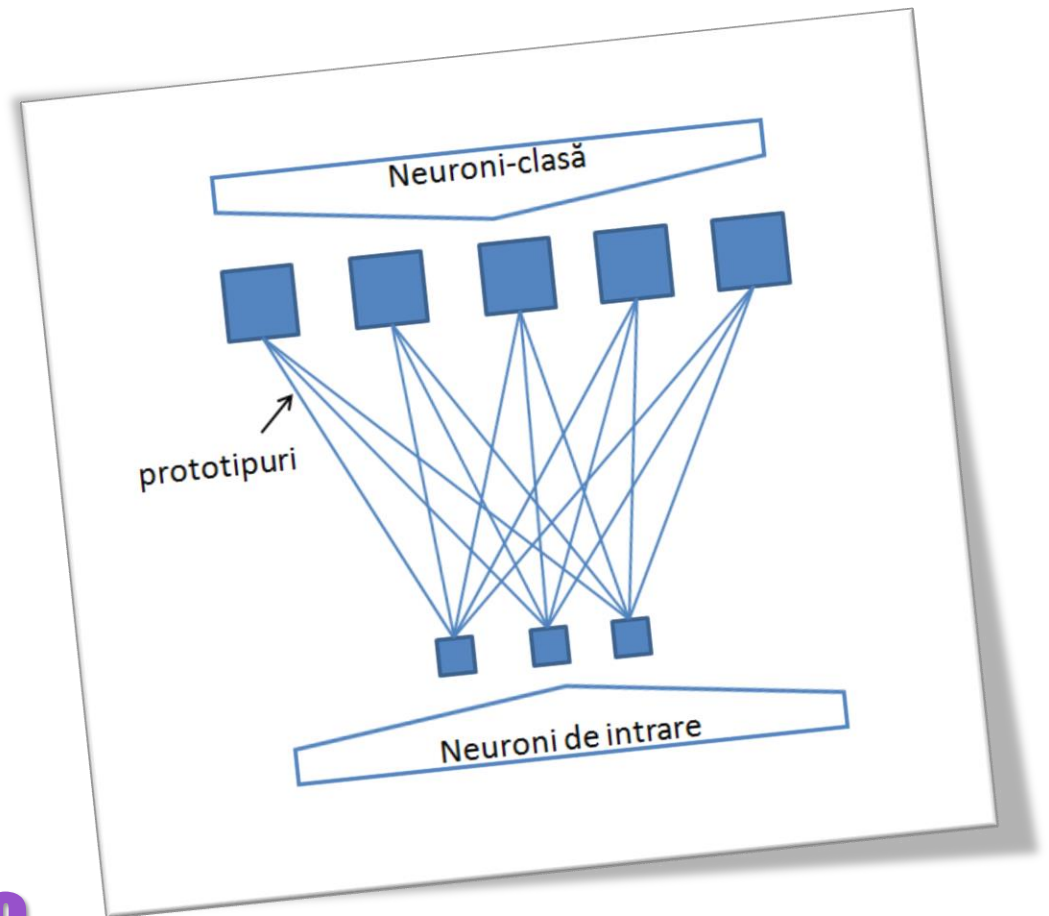
$$d_{m,j} = (x^{(m)} - w_j) = \|x^{(m)} - w_j\|$$



Etapa de recunoaștere

- Pentru fiecare model de intrare nou, care nu a fost folosit în etapa de antrenare, se calculează distanța până la fiecare neuron-clasă, la fel ca în etapa de antrenare
- Este aleasă drept clasă câștigătoare cea cu distanța calculată cea mai mică
- Antrenarea poate fi refăcută ulterior, dacă apar clase noi.
- RNA de acest tip se mai numesc și **RNA competitive**





Algoritmul LVQ (LEARNING VECTOR QUANTIZER)

Algoritmul LVQ

- Learning vector quantizer = cuantificator vectorial cu învățare
- Inventat de profesorul finlandez Teuvo Kohonen (n. 1934)
- Cuantificare vectorială: transformarea unui set de vectori mai mare într-un set de vector mai mic, reprezentativ, de prototipuri (codebook vectors, prototypes)
 - ❖ Utilizată original în aplicații de comprimare a datelor
- Algoritmul LVQ folosește învățarea supravegheată - pentru fiecare vector din baza de date folosită pentru antrenare se cunoaște clasa din care face parte, reprezentată printr-o etichetă $c=1 \dots C$.
- Realizează comprimarea vectorilor modelelor din baza de date de antrenare $x^{(m)}$, $m=1 \dots M$ în vectorii doriți $w^{(c)}$, $c=1 \dots C$ cu $C < M$.

Algoritmul LVQ - funcționare

- Se identifică din baza de date de antrenare numărul de modele M , numărul de clase C și dimensiunea unui model de antrenare n .
- Se inițializează aleatoriu o matrice W cu n linii și C coloane; fiecare coloană din această matrice reprezintă prototipul inițial al clasei c
- Repetă până la îndeplinirea unui criteriu de oprire:
 - ❖ Pentru fiecare model de intrare m , $m=1..M$
 - Calculează distanța euclidiană între model și ponderile fiecărui neuron-clasă
 - Alege drept neuron câștigător pe cel cu distanța calculată cea mai mică
 - Dacă numărul clasei alese coincide cu cel asociat modelului în baza de date, adaptează ponderile neuronului-clasă respectiv în sensul apropierei lui de modelul de intrare
 - Dacă numărul clasei alese coincide cu cel asociat modelului în baza de date, adaptează ponderile neuronului-clasă respectiv în sensul îndepărtării lui de modelul de intrare

Algoritmul LVQ - implementare (1/2)

- Se dau:
- $[X]$ - matricea modelelor de intrare, cu M linii și n coloane unde M este numărul de modele din setul de antrenare, iar n este numărul de elemente care formează un model de intrare. Fiecare element i din setul de antrenare este codificat într-o linie din matricea $[X]$, $i=1 \dots M$.
- $[CX]$ - vector coloană cu M elemente, în care fiecare element $CX(i)$ este un număr întreg c , $c=1..C$, reprezentând clasa căruia îi este asociat elementul i din matricea X , $i=1 \dots M$.
- O rată de învățare η (*eta*).
- Se definește criteriul de oprire: de exemplu, un număr maxim de iterații $MaxIt$.
- Se inițializează aleatoriu o matrice W cu C linii și n coloane; fiecare linie din această matrice reprezintă prototipul inițial al fiecărei clase c .

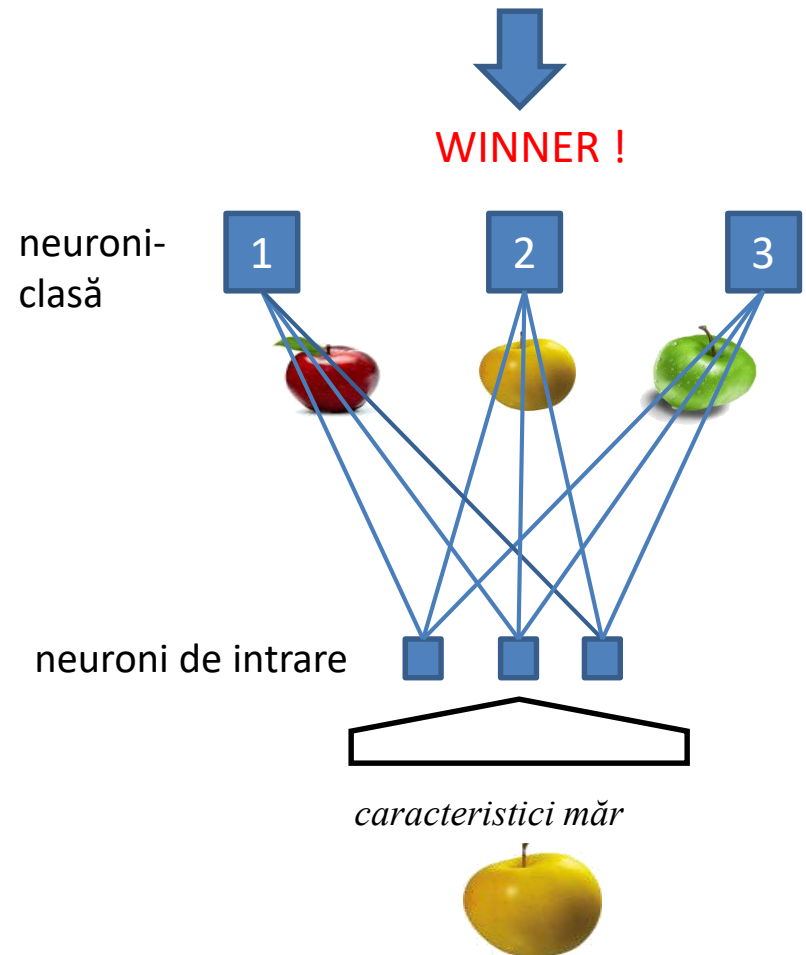
Algoritmul LVQ - implementare (2/2)

```
for i=1 : MaxIt    % Începe o nouă iterație
    for m=1 : M % pentru fiecare model din setul de date de antrenare
        % citește model din matricea X
        model=X(m, :);
        % calculează distanța dintre model și ponderile neuronilor-clasă
        D=zeros(1,C);
        for c=1:C
            prototip=W(c,:); % extrage prototipul curent
            D(1,c)= sqrt(sum((model - prototip) .^ 2));
        end; % for c prototipuri
        % identifică neuronul-clasă câștigător
        winn=find(D==min(D));
        % adaptează ponderi neuron câștigător
        if winn==CX(m)
            % dacă clasa identificată este cea dorită, adaptare pozitivă
            W(winn,:)= W(winn,:)+eta*(model- W(winn,:))
        else
            % dacă clasa identificată este greșită, adaptare negativă
            W(winn,:)= W(winn,:)-eta*(model- W(winn,:))
        end; % if winn
    end; % for m modele
end; % for i iterații
```

Algoritmul LVQ - interpretare intuitivă



Câte feluri de mere sunt în grămadă ?
Cum arată fiecare fel de măr ?
Care măr aparține cărui fel ?



Algoritmul LVQ – avantaje și dezavantaje



- îmbunătățește performanțele algoritmului k-medii



- folosește un număr fix de clase
- învățare supravegheată - în realitate, nu se cunoaște întotdeauna împărțirea pe clase a elementelor din baza de date folosită la antrenare
 - Aceste dezavantaje pot fi remediate folosind RNA de tip SOFM

Rețele neuronale Kohonen (Self-organizing Feature Maps - SOFM)

Istoric

- Inventate de profesorul finlandez Teuvo Kohonen (n. 1934)



RNA Kohonen – inspirația biologică

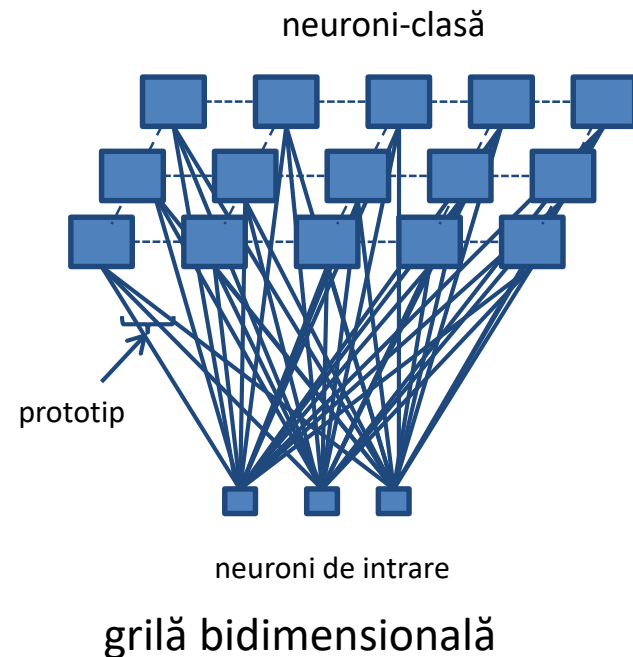
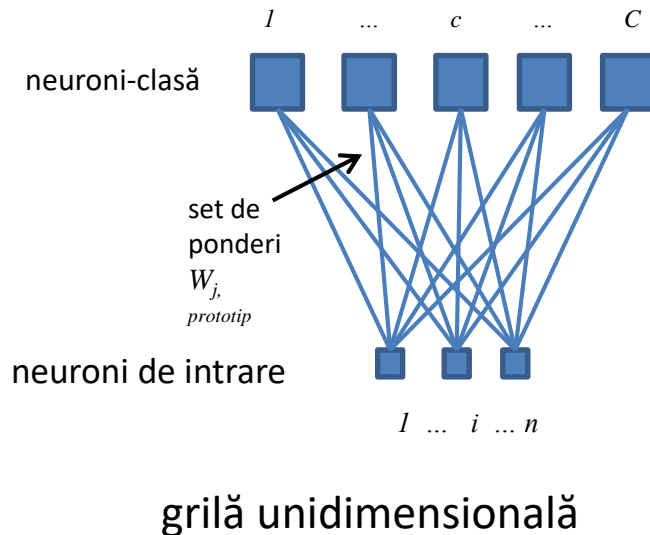
- Biologic, învățarea sau deprinderea se realizează prin întărirea anumitor sinapse (legături) dintre anumiți neuroni, formând căi sinaptice.
- Creierul copilului este o pânză albă; rețelele de neuroni din anumite zone ale cortexului formează centrii nervoși prin antrenare (exersare).
- Cortexul arată ca o pânză întinsă pe suprafața creierului
- Relațiile dintre stimulii exteriori se regăsesc în relații similare între neuroni
- Dispunerea centrilor nervoși în creier respectă principiul vecinătății: mână lângă braț.

RNA Kohonen – principii de funcționare

- SOFM = Self-Organizing Feature Maps (hărți de trăsături cu autoorganizare)
 - **Autoorganizare**: capacitatea unui sistem de a descoperi și învăța structura datelor de intrare în absența oricăror informații privitoare la această structură. RNA **mapează** intrările către ieșiri.
 - RNA cu autoorganizare învață **trăsăturile (caracteristicile)** modelelor de intrare în absența unor corespondențe cunoscute cu datele de ieșire (învățare nesupravegheată)
- Harta presupune **organizarea topologică** a informației și **vecinătăți**.

RNA Kohonen – arhitectură

- RNA Kohonen extinde RNA generală clasificatoare adăugând conceptele de organizare topologică și vecinătăți.
- Neuronii-clasă sunt organizați în grile uni- bi- sau multidimensionale



RNA Kohonen - algoritmul fără creșterea rețelei

- Etapa de antrenare:
 - ❖ Pregătire bază de date de modele de intrare pentru antrenare
 - ❖ Inițializare număr de clase (de prototipuri)
 - ❖ Inițializare ponderi prototipuri, de obicei în intervalul $[0,1]$
 - ❖ Proces iterativ:
 - ❖ Fiecare model de intrare este comparat, prin calculul unei distanțe (de obicei cea euclidiană) cu prototipurile tuturor neuronilor-clasă
 - ❖ Este ales drept neuron câștigător cel cu distanța calculată cea mai mică
 - ❖ Se calculează vecinătatea neuronului-clasă câștigător și se reduce valoarea ratei de învățare
 - ❖ Ponderile neuronului clasă ales și ale celor aflate în vecinătatea sa sunt corectate pentru a se apropia de modelul de intrare respectiv
 - ❖ Dacă s-a îndeplinit condiția de oprire, procesul iterativ se oprește
 - ❖ În finalul algoritmului, valorile ponderilor fiecărui neuron-clasă codifică caracteristicile clasei respective.
- Etapa de recunoaștere:
 - ❖ Pentru fiecare model de intrare nou, care nu a fost folosit în etapa de antrenare, se calculează distanța până la fiecare neuron-clasă, la fel ca în etapa de antrenare
 - ❖ Este aleasă drept clasă câștigătoare cea cu distanța calculată cea mai mică

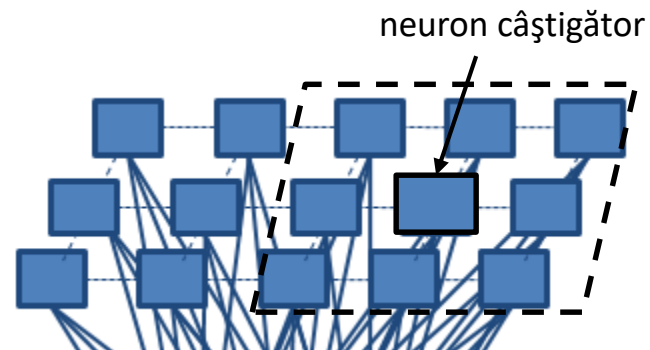
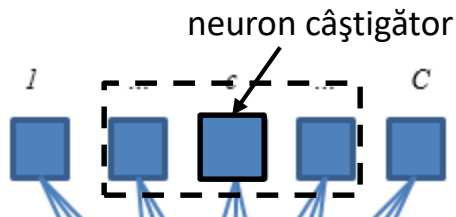
RNA Kohonen - vecinătăți

- Vecinătăți continue: se folosește o funcție continuă, de obicei gaussiană:

$$V_c = e^{-\rho_c^2 / 2\sigma^2}, \text{ unde } \rho_c = |P_c - P_{c^*}|$$

❖ σ^2 - dispersie, ρ_c -distanța dintre neuronul-clasă c și neuronul câștigător c^*

- Vecinătăți discrete, care folosesc pozițiile neuronilor în grilă



RNA Kohonen - vecinătăți

- În prima etapă a antrenării, vecinătatea are valoare mare, pentru a încuraja colaborarea sau cooperarea între neuroni.
- Cu cât dispersia σ este aleasă mai mare, cu atât vecinătatea inițială vă fi mai mare
- Treptat, vecinătatea este îngustată, pentru ca spre finalul antrenării să devină 0 (sunt adaptate doar ponderile neuronului-clasă câștigător)
- Același principiu al descreșterii se aplică, de obicei, și pentru rata de învățare η .

RNA Kohonen - adaptarea ponderilor

- Adaptarea ponderilor:

- ❖ unidirecțională

$$w_c^{(t+1)} = w_c^{(t)} + \eta \cdot (x^{(m)} - w_c^{(t)}), \quad \text{daca } c \in V_c \quad (\text{stimulare})$$

$$w_c^{(t+1)} = w_c^{(t)}, \quad \text{daca } c \notin V_c \quad (\text{ponderile raman neschimbate})$$

- ❖ bidirecțională

$$w_c^{(t+1)} = w_c^{(t)} + \eta \cdot (x^{(m)} - w_c^{(t)}), \quad \text{daca } c \in V_c \quad (\text{stimulare})$$

$$w_c^{(t+1)} = w_c^{(t)} - \eta \cdot (x^{(m)} - w_c^{(t)}), \quad \text{daca } c \notin V_c \quad (\text{penalizare})$$

RNA Kohonen - algoritmul cu creșterea rețelei

- RNA Kohonen permite creșterea rețelei, plecând de la o singură clasă inițială și creșterea numărului de clase pe măsură ce se identifică modele de intrare cu caracteristici noi.
- Criteriu de departajare pentru crearea unei clase noi: o valoare maximă a distanței calculate între modelul de intrare respectiv și ponderile fiecărui neuron-clasă existent în rețea

RNA Kohonen - algoritmul cu creșterea rețelei

- Algoritm de creștere pentru o grilă de neuroni pătrată [Engelbrecht]:
- Se identifică neuronul-clasă ij față de care distanța calculată este cea mai mare
- Se identifică, pe linii și pe coloane, cei mai îndepărtați neuroni-clasă vecini, mn (linie) și rp (coloană)
- Se introduce o linie nouă între linia ij și linia mn
- Se introduce o colană nouă între coloana ij și coloana rp
- Se inițializează ponderile pe noua linie și coloană:

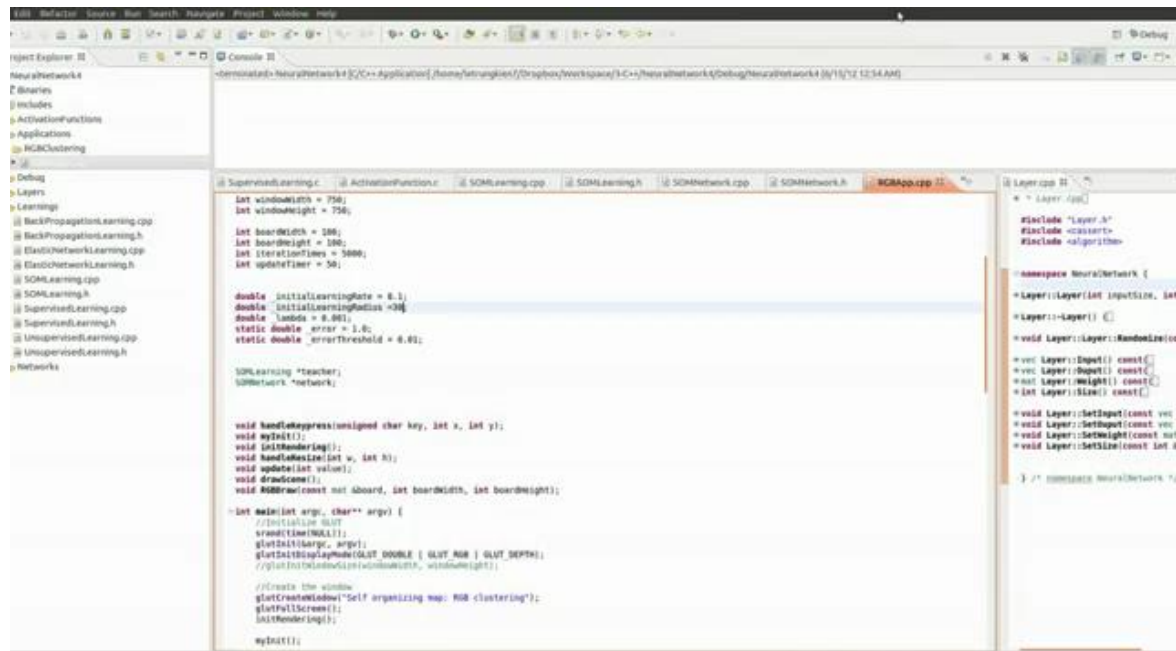
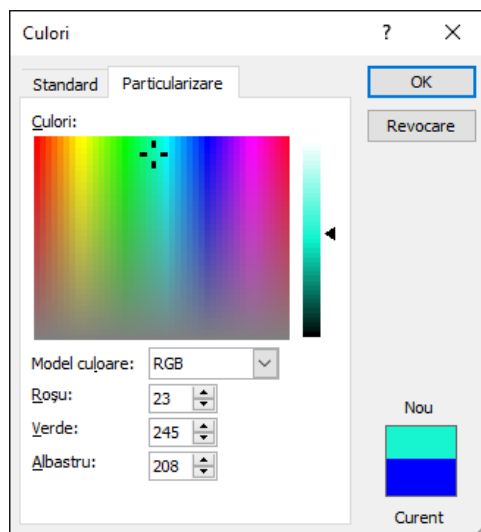
$$w_{x,colnou} = \alpha \cdot (w_{x,colnou-1} + w_{x,colnou+1})$$

$$w_{linnou,y} = \alpha \cdot (w_{linnou-1,y} + w_{linnou+1,y})$$

unde x/y iau valori între 1 și indexul maxim de linie/coloană și $\alpha \in (0,1)$

Intuiție grafică a antrenării unei RNA Kohonen

- Identificarea culorilor după codurile RGB
- Red : 0-256
- Green: 0-256
- Blue : 0-256



va urma...

- examen

Vă mulțumesc pentru atenție !